

## Vigilancia continua de variantes (VOC/VOI) de SARS-CoV-2 en la Provincia de Córdoba. Periodo analizado 16/3/2022 al 23/5/2022.

### Resumen

- Se **tipificaron 434 nuevas muestras (357 por real time PCR y 77 por secuenciación genoma completo por NGS)**, correspondientes a casos **RNA positivos para SARS-CoV-2** con Ct<30 diagnosticados desde el 16 de marzo al 23 de mayo de 2022.
- Durante este periodo se detectó **VOC Omicron en el 100% de los casos**.
- Se obtuvieron **77 nuevos genomas completos** de las cuales el 100% fueron **VOC Omicron** correspondientes a los linajes BA.1.1 (36,4%), BA.1.15 (2,5%), BA.2 (13,0%), BA.2.3 (35,1%), BA.2.31(1,3%), BA.2.9 (7,8%), BA.2.10 (3,9%).
- En Córdoba, en el marco de la **vigilancia activa de variantes** se han **tipificado un total de 7.926 muestras (7.274 por real time PCR y 652 por secuenciación de genomas completos)**.

### Estrategia de detección de variantes de SARS-CoV-2 mediante screening rápido por PCR en tiempo real.

Con el objetivo de actualizar los datos sobre la dinámica de circulación local de las variantes de preocupación (VOC) a lo largo del año 2022, el presente informe reporta el monitoreo realizado a partir de **357** muestras positivas para SARS-CoV-2 correspondientes a los casos diagnosticados por PCR en el Laboratorio Central de la provincia de Córdoba durante el periodo comprendido entre el **16 de marzo al 23 de mayo de 2022**, usando la **estrategia de PCR en tiempo real**, la cual fue **actualizada y redefinida** en el contexto epidemiológico actual de SARS-CoV-2 con circulación exclusiva de VOC Omicron.

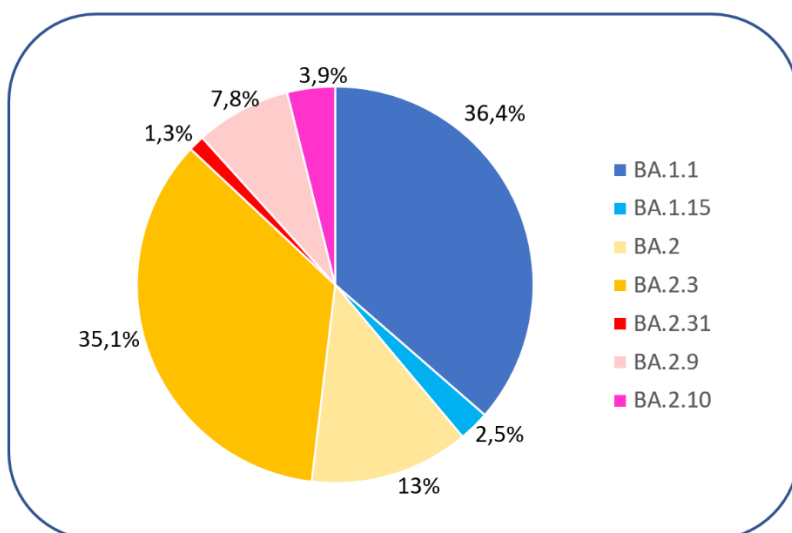
Para esto se procede a la detección de las mutaciones: P681H, K417N y del69/70.

### Secuenciación de genoma completo

Se continuó con la **vigilancia activa de variantes mediante secuenciación de genomas completos utilizando secuenciación de nueva generación (NGS)** (trabajo en cooperación entre Laboratorio Central Ministerio de Salud de Córdoba, Instituto de Virología -FCM- UNC - Proyecto PAIS - Nodo INTA-CBA, Fundación para el Progreso de la Medicina, ANLIS-Malbrán, iniciado en noviembre 2021).

**Desde septiembre de 2021 a la fecha en Córdoba**, se obtuvieron **652 secuencias completas** de casos de SARS-CoV-2.

En el periodo analizado se obtuvieron **77 nuevas secuencias completas** todas correspondientes a la VOC Omicron, linajes **BA.1.1 (36,4%), BA.1.15 (2,5%), BA.2 (13,0%), BA.2.3 (35,1%), BA.2.31(1,3%), BA.2.9 (7,8%), BA.2.10 (3,9%)** (Fig. 1). Todas las secuencias se encuentran **registradas en la base de datos internacional GISAID**.



**Figura 1.** Distribución porcentual de linajes de VOC Omicron detectados en la comunidad en la provincia de Córdoba mediante secuenciación del genoma completo (NGS) entre abril y mayo de 2022.

#### Participantes en el estudio y en este informe:

**Ministerio de Salud de la provincia de Córdoba: Laboratorio Central:** Paola Sicilia, Gonzalo Castro, Laura Bolzon - **Epidemiología:** Laura López - **Secretaría Prevención y Promoción de la Salud:** Gabriela Barbás.

**Instituto de Virología "Dr. J. M. Vanella" Facultad de Ciencias Médicas - Universidad Nacional de Córdoba:** Viviana Ré, María Belén Pisano.

**Instituto Nacional de Tecnología Agropecuaria (INTA), Centro de Investigaciones Agropecuarias (CIAP), Instituto de Patología Vegetal (IPAVE), Córdoba:** Franco Fernández

**Fundación para Progreso de la Medicina:** Maximiliano Zeballos, Andrea Lucca