

Vigilancia continua de variantes de SARS-CoV-2 en la Provincia de Córdoba. Actualización 02/02/2023

Resumen

- Se continuó con la **vigilancia de variantes de SARS-CoV-2** en el Departamento **Laboratorio Central del Ministerio de Salud** de la provincia de **Córdoba**, mediante **secuenciación de genomas completos** de SARS-CoV-2 por secuenciación de nueva generación (NGS).
- Se obtuvieron 91 nuevos **genomas completos**, correspondientes a casos **RNA positivos** para **SARS-CoV-2** con Ct < 30 diagnosticados en el mes de **enero de 2023**.
- Se detectó **VOC ómicron** en el **100% de los casos**.
- Los principales linajes/sub-linajes de **VOC ómicron** obtenidos fueron: **BQ.1*** (79,1%); **XBB*** (14,3%); **BA.2.75*** (3,3%); **BA.5*** (2,2%) y **BA.4.6** (1,1%).
- En **Córdoba**, en el marco de la **vigilancia activa de variantes** se han **tipificado un total de 8.539 muestras** (7.274 por real time PCR y 1265 por secuenciación de **genomas completos**).

Secuenciación de genoma completo

En este periodo, se secuenciaron un total de **91 muestras**, correspondientes a casos clínicos del período comprendido entre el **01/01/2023 y el 31/01/2023** (SE01 - SE05), de distintas localidades de la provincia. Las secuencias obtenidas fueron analizadas mediante el servidor de la Red Federal de Genómica y Bioinformática, disponible para tal fin, y la herramienta Nextclade. El **100% de los casos** correspondieron a la **variante ómicron**, y los linajes/sub-linajes detectados fueron: **BQ.1*** (n=72 - BQ.1, BQ.1.1, BQ.1.4, BQ.1.5, BQ.1.1.4, BQ.1.1.13, BQ.1.1.15, BQ.1.1.49, DM.1); **XBB*** (n=13 - XBB.1, XBB.2, XBB.1.5); **BA.2.75*** (n=3 - BN.3.1, CH.1.1.3); **BA.5*** (n=2 - BA.5, BE.9) y **BA.4.6** (n=1). Las secuencias se encuentran registradas en la base de datos internacional GISAID.

Participantes en el estudio y en este informe:

Ministerio de Salud de la provincia de Córdoba:

Departamento Laboratorio Central: Gonzalo Castro, Paola Sicilia

Dirección de Epidemiología: Laura López

Ministra de Salud: Gabriela Barbás.

Facultad de Ciencias Médicas - Universidad Nacional de Córdoba:

Instituto de Virología "Dr. J. M. Vanella": Viviana Ré, María Belén Pisano.

ANLIS Malbrán:

Unidad Operativa Centro Nacional de Genómica y Bioinformática: Tomás Poklepovich, Josefina Campos.